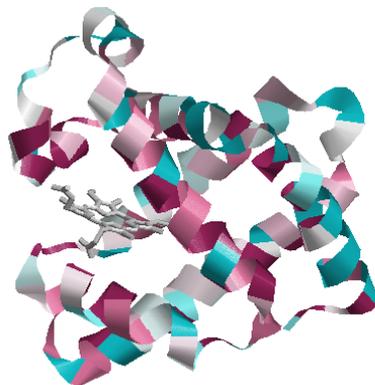


La conservation des acides aminés de la myoglobine

Le protocole ci-dessous permet d'obtenir l'image du modèle moléculaire présentée page 140. Ce protocole est proposé pour une utilisation du logiciel MolUSc ou du logiciel Rastop
Attention : la coloration réalisée ici est différente de celle du livre : les acides aminés les plus conservés apparaissent en rouge.



Fichiers à
utiliser (proposés en
téléchargement) :
myohomme.pdb
myoglobine_consurf.sc
r

- **Avec MolUSc en mode visualisation simple**

Charger le modèle

Charger le script de la même façon

1. Sélectionner / Protéine
2. Afficher / Dessin
3. Sélectionner / Hétéroatomes / Hèmes
4. Afficher / Bâtonnets

- **Avec RasTop**

Charger le fichier.

Cliquer sur le bouton « cacher tout » 

1. Charger le script : dans le menu « Fichier », choisir l'item « Charger script Rasmol », puis sélectionner le fichier dans l'arborescence
2. Cliquer sur le bouton « cacher tout » 
3. Cliquer sur le bouton « Ribbons only » 
4. Dans la liste choisir Hétéroatomes
5. Cliquer sur le bouton « Nouvelle sélection » 

6. Cliquer sur le bouton « Bâtonnets » 